

Organisateurs :
Pr Salma Mhalla
Pr Sondes Haddad-Boubaker

Formateurs :
Pr Sondes Haddad-Boubaker
Dr Anissa Chouikha
Pr. Hela Hannechi
Dr Oussema Souai
Dr Marwa Ben Ibrahim
Dr Marwa Arbi

Facilitateurs :
Dr Imen Ben Salem
Dr Haifa Khemiri
Dr Kaouther Ayouni
Dr Marwa Khedhiri



organisent
une formation intitulée:

Séquençage et caractérisation moléculaire des génomes viraux : de la théorie à la pratique

Les 18 et 19 Avril à l'IPT

Informations importantes:

Places limitées : **20 personnes**

priorité aux séniors HU et résidents séniors en biologie

Date limite de préinscription :

31 mars minuit

Frais d'inscription:

250 DT : pour les membres de la STPI
à jour de leurs cotisations

300 DT : pour les non membres



Journée du 18 Avril : Séquençage par la technologie Sanger & Applications

Lieu : Petit Amphi puis salle d'informatique

8h30-08h45 : **Inscription**

8h45-09h00 : **Test des prérequis**

9h00-09h30 : **Apport du séquençage et la bio-informatique pour le diagnostic et la surveillance des maladies virales**

Pr Sondes Haddad-Boubaker & Pr Hela Hannechi, IPT

09h30-10h00 : **Principe de base du séquençage par la technologie Sanger**

Pr Sondes Haddad-Boubaker, IPT

10h15-10h30 : *Pause - ☕*

10h30-11h00 : **Comparaison des séquences et Analyse phylogénétique : Application pour la surveillance du virus de la Rougeole**

Dr Anissa Chouikha & Dr Marwa Arbi, IPT

11h15-11h30 : **Installation des logiciels**

11h30-13h30 : **Pause déjeuner** 

13h30-15h : **Lieu Salle Informatique**

Pr Sondes Haddad-Boubaker, Dr Anissa Chouikha, Dr Imen Ben Salem, Dr Kaouther Ayouni

- **Edition de séquences de la région VP1 du Poliovirus**

- **Constitution de la séquence consensus et détermination du nombre de mutation**

15h-15h15 : *Pause - ☕*

15h15-16h15 : **Analyse phylogénétique**

Journée du 19 Avril : Séquençage haut-débit (NGS) & Applications

Lieu : Petit Amphi puis salle d'informatique

9h-09h30 : **Le NGS au cœur du diagnostic et de la surveillance des maladies virales**

Pr Henda Triki, IPT

9h30-10h00 : **Principe de base du séquençage haut-débit**

Pr Sondes Haddad-Boubaker, IPT

10h00-10h30 : *Pause - ☕*

10h30-11h00 : **Préparation de bibliothèques de génomes viraux**

Dr Marwa ben Ibrahim, Illumina

11h00-11h30 : **Analyses bio-informatiques de données omiques de virus**

Dr Oussema Souai, IPT

11h30-13h30 : **Pause déjeuner** 

13h30-16h00 : **Lieu Salle Informatique**

Pr Sondes Haddad-Boubaker, Dr Haifa Khemiri, Dr Marwa Khedhiri

- **Interprétation des données de séquençage haut-débit du SARS COV2 utilisant le logiciel Nexclade**
- **Détection des variants génomiques du SARS COV2 (analyse par le logiciel Pangolin)**
- **Test d'évaluation finale**